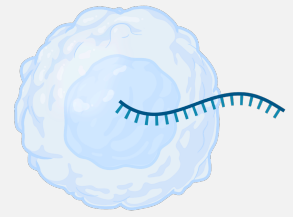




Scale Biosciences (ScaleBio) から

ウルトラ ハイスループット

Single Cell RNAseq



多くの研究者の研究加速のために
シングルセル遺伝子発現解析のスケールを拡張

ScaleBio からの画期的なscRNA キットは、前例のないサンプルのマルチプレックスイング、膨大な細胞数の処理によるトランスクリプトーム プロファイリングを可能にします。

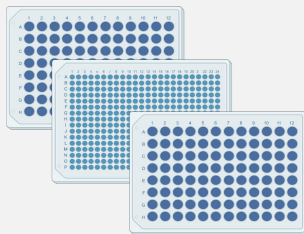
多くのシングルセルを対象とした研究では、より高いスループット解析が必要になりますが、一方、高額なトータル コストが問題になっています。ScaleBio は、その問題を解消する共に研究者の方々がシングルセル解析により多くの解明ができるよう支援をいたします。

専用装置は不要です！

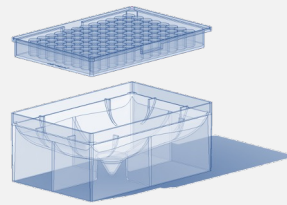
細胞固定



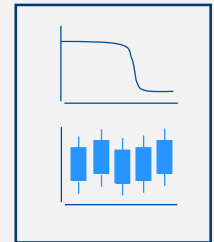
プレートによるワークフロー



特許の回収プラスチック



バイオインフォマティクス
パイプライン



安価なコストで、1 回の実行で 125,000 細胞の解析結果

細胞自体を反応容器として活用し、3 段階の独自のコンビナトリアルインデクシング技術により、**350 万**を超えるユニークな組み合わせを生成します。

デザインは柔軟です: 1 回の実行で 1 ~ 96 サンプルの処理が可能です。

ワークフロー概要

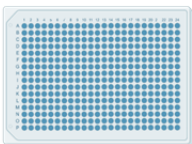
インデクス数 /
反応ステップ

レベル
1



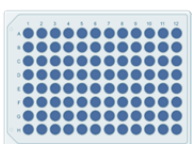
96
逆転写

レベル
2

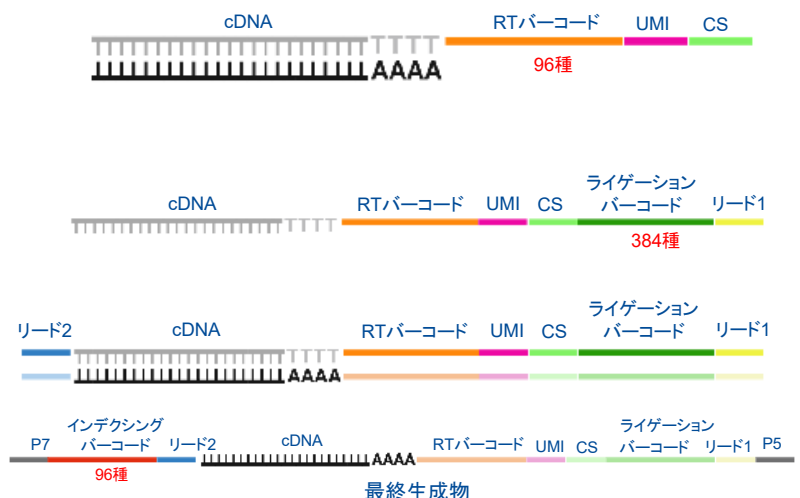


96×384
= **36,894**
ライゲーション

レベル
3



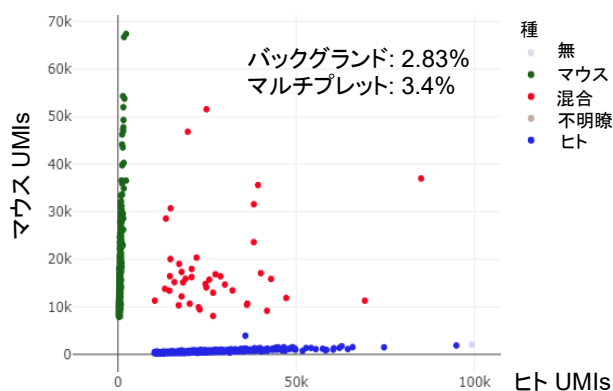
$36,894 \times 96$
= **3,538,944**
ターミネーション
& インデクシング



混合サンプルの実験による、低いダブルレット率の証明

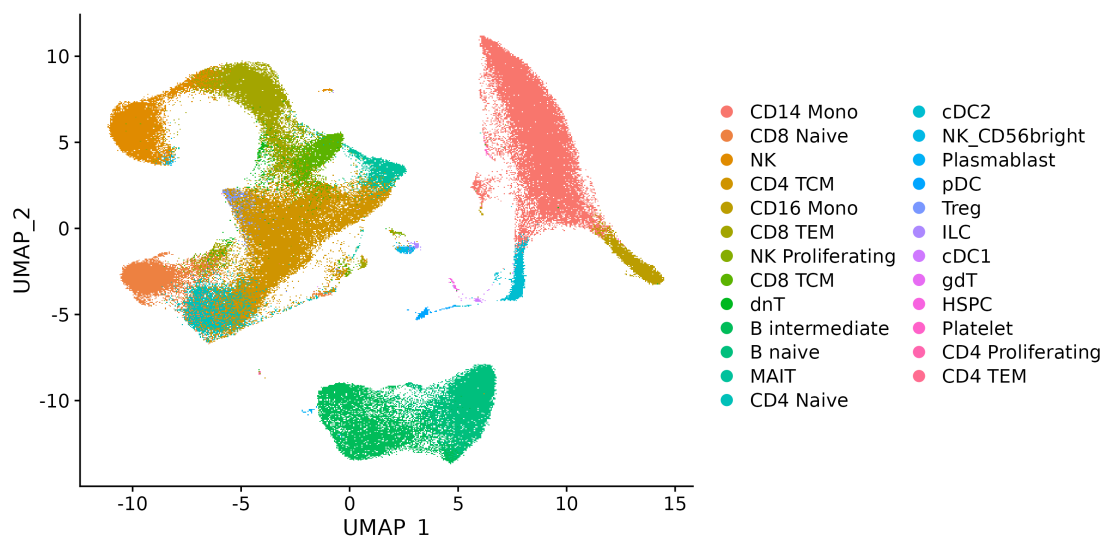
マウス 3T3 細胞と混合したヒト K562 細胞、シーケンシングで8 ウェルを使用

測定値	値
平均リード/細胞	63,327
平均 UMIs/細胞	15,195
サチュレーション	63%



PBMC で代表される主要な細胞の種類と割合

1人の患者からの161,000 個の細胞を配列決定



プロジェクトを拡大し、研究を拡張

ScaleBio 独自のコンビナトリアルインデックス技術の利点



拡張可能なサンプルインデクシング



費用対効果の高いライブラリ調整



拡張可能なサンプルスループット



専用装置は不要



日本総代理店: バイオストリーム株式会社

〒105-0021 東京都港区東新橋 2-7-3 昭和アステック1 号館

TEL: 03-6869-4402, FAX: 050-3488-0496

Email: info@biostream.co.jp

Website: www.biostream.co.jp

販売代理店